

بررسی ارتباط پلی مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* و پلی مورفیسم ژن *GSTM1* در بیماری اسکیزوفرنی

ساناز پورشکار^۱، افسانه فیروزفر^۱، محمدرضا دهقانی^۲، سید مجتبی یاسینی اردکانی^۳، سید مهدی کلانتر^{۴*}

مقاله پژوهشی

مقدمه: اسکیزوفرنی یک اختلال روانی است که یک درصد جمعیت جهان را تحت تأثیر قرار می‌دهد. فاکتورهای محیطی و ژنتیکی در بروز اسکیزوفرنی مؤثرند. دو تا از ژن‌های شناخته شده دخیل در بروز این بیماری *DRD2* و *GSTM1* می‌باشند. **روش بررسی:** این مطالعه مورد-شاهدی، شامل ۱۰۰ فرد مبتلا به اسکیزوفرنی مراجعه‌کننده به بیمارستان اعصاب و روان یزد بود. همچنین ۱۰۰ نفر که فاقد بیماری روان پزشکی شناخته شده‌ای بودند، به‌عنوان گروه کنترل انتخاب شدند. پس از استخراج DNA، با استفاده از تکنیک PCR-RFLP، پلی مورفیسم *Ser311Cys* و با استفاده از تکنیک Multiplex PCR، پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* مورد بررسی قرار گرفت. پس از انجام آزمایش‌های مربوطه، و به‌دست آوردن نتایج، تجزیه و تحلیل آماری با استفاده از نرم‌افزار SPSS Inc., Chicago, IL; Version 16 صورت گرفت. در این بررسی از آزمون آماری Chi-Square و رگرسیون لجستیک استفاده شد.

نتایج: تجزیه و تحلیل داده‌ها نشان داد که توزیع فراوانی ژنوتیپ‌های پلی مورفیسم *Ser311Cys* بین بیماران و افراد سالم معنی‌دار نمی‌باشد ($P=0/121$) همچنین ارتباطی بین پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* و بیماری اسکیزوفرنی وجود ندارد. به طور کلی توزیع فراوانی ژن حذفی بین بیماران و گروه کنترل معنی‌دار نبود ($p=0/089$) و این پلی مورفیسم به طور معنی‌داری با علائم ارتباط داشت. ($p=0/012$)

نتیجه‌گیری: یافته‌های حاصل از این مطالعه نشان داد که پلی مورفیسم *Ser311Cys* و پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* در بین بیماران مورد مطالعه شایع نبوده که در این خصوص نشان‌دهنده عدم تاثیرگذاری در جمعیت مورد مطالعه است. با این وجود چون جمعیت مورد مطالعه نماینده کل جمعیت ایرانی نمی‌باشد، نیازمند مطالعات وسیع‌تر در جمعیت‌های بزرگ‌تر می‌باشد.

واژه‌های کلیدی: اسکیزوفرنی، ژن *DRD2*، ژن *GSTM1*، پلی مورفیسم *Ser311Cys*

ارجاع: پورشکار ساناز، فیروزفر افسانه، دهقانی محمدرضا، یاسینی اردکانی سید مجتبی، کلانتر سید مهدی. بررسی ارتباط پلی مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* و پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* در بیماری اسکیزوفرنی. مجله علمی پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی شهید صدوقی یزد ۱۳۹۸؛ ۲۷ (۶): ۱۱-۱۶۰۲.

۱-دانشجو، گروه ژنتیک، پژوهشکده علوم تولید مثل، یزد، ایران

۲-استادیار، مرکز تحقیقات ژنتیک پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی خدمات بهداشتی درمانی شهید صدوقی، یزد، ایران

۳-استاد، گروه روان پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی خدمات بهداشتی درمانی شهید صدوقی، یزد، ایران

۴-استاد، واحد تولید مثل و ژنتیک، پژوهشکده علوم تولید مثل، یزد، ایران

* (نویسنده مسئول): تلفن: ۰۹۱۳۱۵۱۸۹۱۸، پست الکترونیکی: genetic2017@yahoo.com، کد پستی: ۳۳۱۹۱۱۸۶۵۱

مقدمه

بیماری اسکیزوفرنی چند عاملی به شمار می‌آید به این معنی که ممکن است این بیماری در نتیجه اختلال محیطی، استرس روانی یا بیماری جسمی در فردی که از لحاظ ژنتیکی مستعد ابتلای به این بیماری است برانگیخته شود (۱،۲). در بررسی‌های انجام شده شاخصه وراثتی اسکیزوفرنی در بین دیگر شاخصه‌ها بسیار چشم‌گیر است و در حدود ۸۰ درصد، از علل این بیماری مربوط به فاکتورهای ژنتیکی است (۳). علائم این بیماری در درجه اول به دو زیر گروه مثبت و منفی تقسیم می‌شود. علائم مثبت شامل توهم و هذیان، علائم منفی شامل کند شدن عاطفه و کناره‌گیری اجتماعی می‌باشد (۴،۵). دوپامین نوعی میانجی عصبی یا ماده‌ای شیمیایی است که در درون مغز پیام‌ها را از سلولی اسبه سلول دیگر می‌رساند. در بیماری اسکیزوفرنی آن دسته از راه‌های دستگاه عصبی مرکزی در مغز که با دخالت دوپامین کار می‌کنند بیش از حد فعال می‌شوند و این فعالیت افراطی به نحوی با نشانه‌های بیماری مربوط است (۶). بررسی پلی‌مورفیسم‌ها در ژن‌های دخیل در مسیر گیرنده‌های دوپامین، یکی از موضوعات تحقیقاتی در زمینه ژنتیک اسکیزوفرنی است. وجود این پلی‌مورفیسم‌ها می‌تواند گیرنده‌های دوپامین را تحت‌تاثیر قرار دهد. یکی از پلی‌مورفیسم‌ها، پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* روی کروموزوم 11q22-23 می‌باشد (۷).

Liu ZW و همکارانش در سال ۲۰۱۲ در جمعیت آسیایی، ارتباط بین پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* را با اسکیزوفرنی باروش PCR، بر روی ۲۲۶۸ بیمار مورد بررسی قرار دادند که نتایج نشان می‌دهد که آلل G از پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* فاکتور خطر ابتلا به اسکیزوفرنی در جمعیت آسیایی می‌باشد (۸). آیتوکوا و همکاران (۹) در جمعیت ژاپن، گالیمبت و همکاران (۱۰) در جمعیت روسیه، ارتباط بین پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* را با اسکیزوفرنی مورد بررسی قرار دادند. که نتایج آن‌ها نشان داد که *Cys311* با بیماری اسکیزوفرنی ارتباط دارد. هم‌چنین هایمی و همکاران (۱۱) در جمعیت ژاپن و فن و همکاران (۱۲)

در جمعیت چین و اسپورلاک و همکاران (۱۳) در جمعیت اروپایی ارتباط بین پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* را با اسکیزوفرنی مورد بررسی قرار دادند. که نتایج آن‌ها نشان داد که *Cys311* با بیماری اسکیزوفرنی ارتباط ندارد. مطالعات مولکولی اخیر این فرضیه را ارائه می‌دهد که تنظیم نبودن متابولیسم گلوتاتیون (GSH) می‌تواند یکی از دلایل به وجود آمدن اسکیزوفرنی باشد. گلوتاتیون ترنسفرازها، خانواده بزرگی از پروتئین‌های عملکردی می‌باشد که برای پاسخ‌های تطبیقی، آنتی‌اکسیدانی به گونه‌های واکنش‌دهنده به اکسیژن (ROS) و پاکسازی ترکیبات سمی خارجی، حیاتی هستند (۱۴). در مغز، بیشترین میزان GSTها در یاخته‌های گلایی وجود دارد که شامل مقدار زیادی GSH است و با سطح پایینی از GSH، سلول‌های عصبی را از آسیب اکسایشی حفظ می‌کنند. تعادل میان اکسیدانت‌های تخریب کننده عصبی و آنتی‌اکسیدانت‌های محافظت کننده عصبی از طریق مکانیسم اکسایش کاهش برقرار می‌شود که نقش مهمی در توسعه سلول‌های عصبی در مغز دارد. این نتایج نشان می‌دهد که استرس اکسایشی ممکن است نقش قابل توجهی در آسیب‌شناسی اتیولوژی اسکیزوفرنی داشته باشد. از طرف دیگر، آنزیم‌های GST نقش مهمی در سم‌زدایی از بدن دارند (۱۴). ژن *GSTM1* انسانی دارای ۸ اگزون می‌باشد که بر روی بازوی کروموزوم 1p13.3 قرار دارد و شایع‌ترین پلی‌مورفیسم آن، حذف کلی ژن (ژنوتیپ نول) که باعث فقدان عملکرد کلی آنزیم می‌شود، می‌باشد. گزارش شده است که این پلی‌مورفیسم شایع با بعضی از بیماری‌های مرتبط با استرس در ارتباط هستند (۱۵).

در مطالعه‌ای که توسط گایسین و همکاران، در کشور سوئیس، سال ۲۰۰۷، برای آزمون این‌که آیا ارتباطی بین نقص در سنتز گلوتاتیون و اسکیزوفرنی وجود دارد انجام شد، که این مطالعه نشان‌دهنده این بود که نقص در سنتز گوتاتیون تحت شرایط استرس اکسیداتیو یک عامل آسیب‌پذیری برای بیماری اسکیزوفرنی می‌باشد (۱۶). رافا و همکاران (۱۷) در کشور تونس، کاشانی و همکاران (۱۴) در کشور ایران، گروینا و همکاران (۱۸) در کشور ایتالیا، ارتباط بین ژن *GSTT1* و

GSTM1 و *GSTP1* با بیماری اسکیزوفرنی را بررسی کردند که نشان داد که اختلال در عملکرد ژن های GST ممکن است خطر ابتلا به اسکیزوفرنی را افزایش دهد. از آنجایی که بیماری اسکیزوفرنی یک بیماری شایع روانی است و نقش ژنتیک در آن ثابت شده است، مشخص نمودن پلی مورفیسم های شایع مرتبط با بیماری می تواند در مشاوره روان پزشکی و ژنتیک این دسته از بیماران مفید باشد و با توجه به آن راه کارهای مناسب در درمان بیماری ارائه گردد. هدف این مطالعه بررسی پلی مورفیسم Ser311/Cys311 ژن *DRD2* و پلی مورفیسم ژن *GSTM1* در افراد سالم و بیماران اسکیزوفرنی و ارتباط آن با علائم مثبت و منفی می باشد.

روش بررسی

این مطالعه مورد شاهدهی، شامل ۱۰۰ فرد مبتلا به اسکیزوفرنی مراجعه کننده به بیمارستان اعصاب و روان یزد بود. بیماران توسط روانپزشک معرفی شدند، و با رضایت آگاهانه از بیمار و احترام به فرد و اختیار او، راز داری، عدم ضرر رسانی، تهیه پرسشنامه و پرکردن آن توسط همراه بیمار و گرفتن رضایتنامه از خود بیمار یا همراه بیمار و تاییدیه کمیته اخلاق بود. برای هر بیمار یک کنترل از مراجعین به آزمایشگاه مرکزی که فاقد بیماری روان پزشکی شناخته شده ای بودند، و سعی شد گروه کنترل از نظر سن و جنس با افراد بیمار مطابقت داشته باشند. از بیماران و همچنین افراد گروه کنترل، ۱۰ میلی لیتر خون محیطی گرفته شد و تا زمان استخراج DNA، در لوله های حاوی ماده ضد انعقاد EDTA و در دمای منفی ۲۰ درجه سانتی گراد نگهداری شد. استخراج DNA ژنومی برای بررسی ژنتیکی با روش Salting out (رسوب دهی توسط نمک) از لنفوسیت های خون محیطی صورت گرفت و در دمای منفی ۲۰ درجه سانتی گراد تا زمان انجام PCR نگهداری شد. برای تکثیر قطعه مورد نظر از ژن *DRD2* (*Ser311Cys*)، PCR انجام شد برای تولید قطعات ۱۳۹ جفت بازی یک جفت پرایمر با توالی زیر مورد استفاده قرار گرفت. 5'- (F: AGCCACCACCAGCTGACTCT3') و 5'-

(R: GCATGGTCTGGATCTCAAAGATCT3') واکنش زنجیره ای پلیمرز در حجم ۲۵ میکرو لیتر شامل ۰/۶ میکرو لیتر DNA ژنومی، ۰/۸ میکرو لیتر از هر کدام از پرایمرهای مربوطه، ۸ میکرو لیتر مسترمیکس که با آب مقطر استریل به حجم ۲۵ میکرو لیتر رسیده و تکثیر با استفاده از دستگاه ترموسایکلر Eppendorf با برنامه دمایی دنا تراسیون اولیه در ۹۵ C° به مدت ۴ دقیقه، دنا تراسیون ثانویه ۹۴ C° به مدت ۳۰ ثانیه، دمای ۶۳/۸ C° برای اتصال پرایمرها به مدت ۳۰ ثانیه و دمای ۷۲ جهت گسترش پرایمرها به مدت ۴۵ ثانیه به تعداد ۳۰ سیکل جهت تکثیر و گسترش نهایی به مدت ۵ دقیقه در دمای ۷۲ صورت گرفت. و پس از آن بر روی ژل آگارز ۲٪ الکتروفورز شد و باند ۱۳۹ جفت بازی مشاهده گردید. هضم آنزیمی توسط آنزیم *Bsmf I* صورت گرفت. سپس در بن ماری در دمای ۳۷ درجه به مدت ۱۶ ساعت گذاشته شد. و پس از آن، نمونه ها بر روی ژل آگارز ۲/۵٪ الکتروفورز شد. برای آلل Ser، باند ۱۲۴ جفت بازی، برای آلل Cys، باندهای ۱۳۹ جفت بازی مشاهده گردید. لازم به ذکر است که برای آلل Ser باند ۱۵ جفت بازی نیز وجود دارد که به علت کوچک بودن، دیده نمی شود (شکل ۱).

برای تشخیص حذف هموزیگوت در ژن *GSTM1* با روش Multiplex دو جفت پرایمر، یک جفت پرایمر *GSTM1* و یک جفت پرایمر *β-Globin* برای تایید تکثیر مورد استفاده قرار گرفت. پرایمرهای مورد استفاده در این مرحله ۴۴ نوکلئوتید برای تولید قطعات ۲۱۹ جفت بازی و ۴۰ نوکلئوتید برای تولید قطعات ۲۶۸ بازی مورد استفاده قرار گرفتند.

واکنش PCR در میکروتیوب های ۰/۲ ml با ۰/۸ ml DNA ژنومی و هر یک از پرایمرهای *GSTM1* و *β-Globin* به مقدار ۰/۸ ml و ۹ ml مسترمیکس به اضافه آب مقطر تا حجم نهایی ۲۵ ml انجام شد. تکثیر با استفاده از دستگاه ترموسایکلر Eppendorf با برنامه دمایی دنا تراسیون اولیه در ۹۴ C° به مدت ۵ دقیقه، دنا تراسیون ثانویه ۹۴ C° به مدت ۱ دقیقه، دمای ۶۲ C° برای اتصال پرایمرها به مدت ۱ دقیقه و دمای ۷۲ جهت گسترش پرایمرها به مدت ۱ دقیقه به تعداد ۳۰ سیکل

تست فیشر $p < 0.05$ به عنوان سطح معنی داری در نظر گرفته شد. برای بررسی ارتباط ژنوتیپی و آلی پلی مورفیسم *Ser311Cys* (ژن *DRD2*) و پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* با بیماری اسکیزوفرنی استفاده شد.

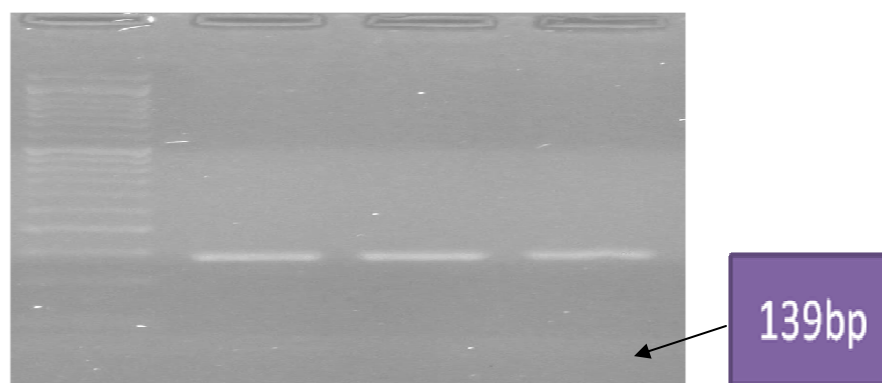
ملاحظات اخلاقی

پروپوزال این تحقیق توسط کمیته اخلاق دانشگاه علوم پزشکی شهید صدوقی مورد تایید قرار گرفته است.

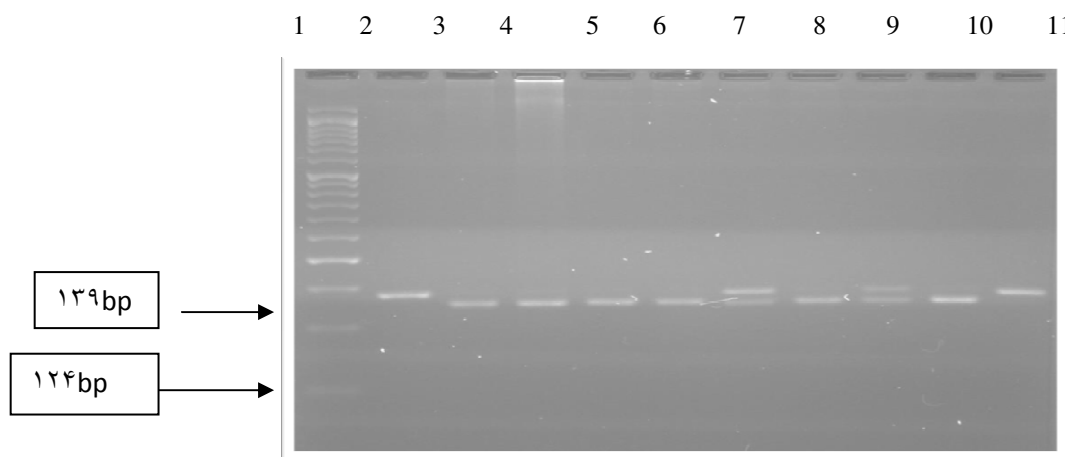
جهت تکثیر و گسترش نهایی به مدت ۵ دقیقه در دمای ۷۲ صورت گرفت. و پس از آن بر روی ژل آگارز ۲٪ الکتروفورز شد و باند ۲۱۹ و ۲۶۸ جفت بازی مشاهده گردید (شکل ۲).

تجزیه و تحلیل آماری

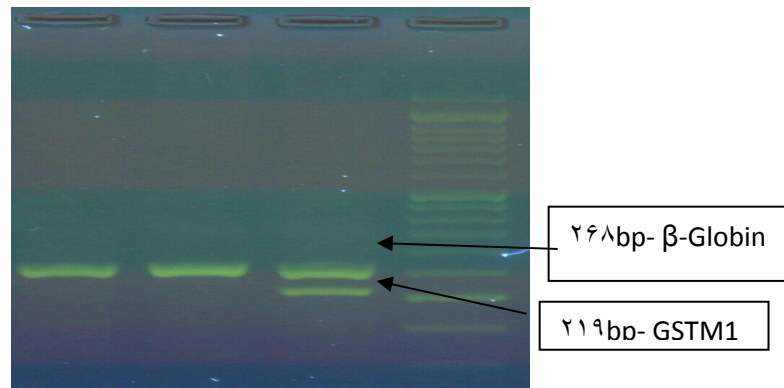
پس از انجام آزمایش های مربوطه، و به دست آوردن نتایج، تجزیه و تحلیل آماری با استفاده از نرم افزار SPSS Inc., Chicago, IL; Version 16 صورت گرفت. در این بررسی از



شکل ۱: تصویر الکتروفورز محصول PCR ژن *DRD2*



شکل ۲: تصویر الکتروفورز محصولات هضم آنزیمی توسط آنزیم *BsmfI*، ستون ها به ترتیب از سمت چپ شامل ۱- Ladder، ۲- محصول PCR ۳- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۴- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۵- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۶- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۷- نمونه هتروزیگوت *Ser311/Cys311* ۸- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۹- نمونه هتروزیگوت *Ser311/Cys311* ۱۰- نمونه هموزیگوت *Ser311/Ser311* ۱۱- محصول PCR



شکل ۳: الکتروفورز محصول Multiplex PCR ژن *GSTM1* ستون‌ها به ترتیب ۱) نمونه حذفی الی *GSTM1* و ایجاد باند مربوط به *B-Globin* به ترتیب در فرد کنترل و بیمار ۳- باند مربوط به ژن *GSTM1* و *B-Globin* Ladder ۴-

نتایج بررسی پلی مورفیسم *Ser311Cys* نشان داد که توزیع فراوانی ژنوتیپ‌های *Ser/Ser* و *Ser/Cys* و *Cys/Cys* در این پلی مورفیسم، بین بیماران اسکیزوفرنی و افراد کنترل، معنی‌دار نمی‌باشد ($P=0/12$). و همچنین ارتباطی بین پلی مورفیسم حذفی ژن *GSTM1* و بیماری اسکیزوفرنی وجود ندارد. به‌طور کلی توزیع فراوانی ژن حذفی بین بیماران و گروه کنترل معنی‌دار نبود ($P=0/089$) (جدول ۲).

نتایج

در این مطالعه سعی شد گروه کنترل از نظر سن و جنس با افراد بیمار مطابقت داشته باشند. ۱۰۰ فرد مبتلا به اسکیزوفرنی که شامل ۳۷ زن و ۶۳ مرد و همچنین از ۱۰۰ فرد کنترل با ۳۸ زن و ۶۲ مورد بررسی قرار گرفتند ($P=0/88$). و همچنین میانگین سنی در دو گروه بیمار و کنترل $37/94 \pm 10/1$ سال بود.

جدول ۱: توزیع فراوانی‌های ژنوتیپی پلی مورفیسم‌ها در افراد اسکیزوفرنی و کنترل

p-value*	کل	کنترل	بیماران	
0/88	75/125	38/62	37/63	جنسیت (مرد/زن)
1/00		37/94 ± 10/1	37/94 ± 10/1	سن (سال)
<i>GSTM1</i>				
0/089	92	40	52	حذفی
	٪۴۶	٪۴۰	٪۵۲	
	108	60	48	حضور
	٪۵۴	٪۶۰	٪۴۸	
<i>Ser311Cys</i>				
0/121	196	100	96	<i>Ser311/Ser311(CC)</i>
	4	0	4	<i>Ser311/Cys311(CG)</i>

*آزمون آماری: Chi-Square و رگرسیون لجستیک

از مطالعات انجام شده در جمعیت‌های مختلف سراسر دنیا، نتایج مختلفی از لحاظ تاثیر پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* و پلی‌مورفیسم ژن *GSTM1* با خطر ابتلا به اسکیزوفرنی به دست آمده است. که می‌تواند به دلیل عواملی چون اندازه و ترکیب جمعیت‌های مورد مطالعه، تفاوت‌های نژادی و جغرافیایی جمعیت‌های مورد مطالعه، شرایط چند عاملی و زمینه‌های ژنتیکی متفاوت باشد. در مطالعه حاضر، پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* و پلی‌مورفیسم ژن *GSTM1* و رابطه این پلی‌مورفیسم‌ها را با اسکیزوفرنی در جمعیت بیماران اسکیزوفرنی مراجعه کننده به بیمارستان تخصصی اعصاب و روان در یزد مورد بررسی قرار گرفت. بر اساس بررسی مقالات منتشر شده، این مطالعه اولین بررسی رابطه این پلی‌مورفیسم‌ها با بیماری اسکیزوفرنی و علائم مثبت و منفی در جمعیت بیماران اسکیزوفرنی ایرانی می‌باشد و نتایج نشان داد که در جمعیت مورد مطالعه، پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* و پلی‌مورفیسم ژن *GSTM1* با بیماری اسکیزوفرنی ارتباطی ندارد. و پلی‌مورفیسم ژن *GSTM1* با علائم در ارتباط می‌باشد. Itokawa M و همکاران (۱۹۹۳) در کشور ژاپن جهش *Ser* به *Cys* ژن *DRD2* را در بیماران اسکیزوفرنی مشاهده کرده و مطالعات آن‌ها نشان داد که پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* با بیماری اسکیزوفرنی در ارتباط می‌باشد (۹). هم‌چنین در مطالعه‌ای دیگر، Arinami T و همکاران (۱۹۹۴) در جمعیت ژاپن به بررسی ارتباط آلل *Cys* با بیماری اسکیزوفرنی پرداختند که نتایج آن‌ها نشان دهنده ارتباط معنی‌دار پلی‌مورفیسم *Cys311* با بیماری اسکیزوفرنی بود (۱۰). Golimbet V و همکاران (۲۰۰۸) در جمعیت روسیه، ارتباط آلل *Ser311Cys* با بیماری اسکیزوفرنی مورد بررسی قرار دادند و نتایج آن‌ها نشان داد که فراوانی آلل *Cys* در گروه بیمار بیشتر از گروه کنترل بوده و این آلل در ارتباط با بیماری اسکیزوفرنی می‌باشد (۱۱). در مقابل نتایج مطالعات Spurlock

G و همکاران (۱۹۹۸) در اروپا، نشان‌دهنده عدم ارتباط پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* و بیماری اسکیزوفرنی در جمعیت اروپایی بود (۱۳).

Himeii A و همکاران (۲۰۰۲) در کشور ژاپن به بررسی ارتباط پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* ژن *DRD2* با بیماری اسکیزوفرنی پرداختند که نتایج، نشان دهنده عدم ارتباط این پلی‌مورفیسم با بیماری بود. اما نتایج این مطالعه در زمینه ارتباط پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* با علائم بیماری اسکیزوفرنی، نشان داد که ارتباط معنی‌داری بین این پلی‌مورفیسم و علائم مثبت و منفی بیماری وجود دارد و این پلی‌مورفیسم، تاثیر قابل توجهی در علائم و نشانه‌های اسکیزوفرنی دارا می‌باشد (۱۹). در مطالعه‌ای که توسط Fan H و همکاران (۲۰۱۰) در کشور چین انجام شد، ارتباط معنی‌داری بین پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* با بیماری اسکیزوفرنی یافت نشد (۱۲).

Kashani FL و همکاران (۲۰۱۱) در کشور ایران به بررسی ارتباط بین ژن‌های *GSTM1*، *GSTT1*، *GSTP1* با بیماری اسکیزوفرنی پرداختند که نتایج مطالعه آن‌ها نشان داد که اختلاف در عملکرد ژن‌های GST ممکن است خطر ابتلا به اسکیزوفرنی را افزایش دهد (۱۴). هم‌چنین Gravina P و همکاران (۲۰۱۱) در کشور ایتالیا ارتباط بین ژن‌های *GSTAI*، *GSTM1*، *GSTT1*، *GSTP1* را با بیماری اسکیزوفرنی مورد مطالعه قرار دادند که نتایج مطالعه آن‌ها نشان داد که ترکیبی از پلی‌مورفیسم‌های GST مختلف، نقش مهمی در استعداد ابتلا به اسکیزوفرنی دارد (۱۸). در سال ۲۰۱۰ رودریگز سانتیگو و همکاران بر روی تعداد کپی‌های (CNV_s) ژن گلوکاتینون ترانسفراز مطالعه‌ای انجام دادند. این بررسی بر روی ۶۵۴ بیمار اسکیزوفرن و ۶۰۴ فرد سالم از جمعیت کشور اسپانیا انجام شد و در بین آن‌ها پلی‌مورفیسم مورد نظر (*GSTM1*)(null) با بیماری اسکیزوفرنی ارتباط داشته است (۲۰). در مقابل، در مطالعه Matsuzawa D و همکاران (۲۰۰۹) در جمعیت ژاپن، ارتباطی بین ژن‌های GST و بیماری اسکیزوفرنی یافت نشد (۲۱).

مطالعه شایع نبوده که در این خصوص نشان‌دهنده عدم تاثیرگذاری در جمعیت مورد مطالعه است. با این وجود چون جمعیت مورد مطالعه نماینده کل جمعیت ایرانی نمی‌باشد، نیازمند مطالعات وسیع‌تر می‌باشد.

سپاس‌گزاری

این مقاله حاصل طرح تحقیقاتی انجام شده در پژوهشکده تولیدمثل می‌باشد (کد مصوب: ۳۶۵۸). از حامی مالی این طرح، دانشگاه علوم پزشکی شهید صدوقی یزد، از ریاست محترم پژوهشکده علوم تولید مثل یزد، جناب آقای پروفسور افلاطونیان و نیز مدیریت مرکز دکتر عبدلی و پرسنل محترم آزمایشگاه ژنتیک و پرسنل محترم بیمارستان تخصصی اعصاب و روان بهمن و جناب آقای دکتر محمد یحیی وحیدی تشکر و قدردانی می‌گردد.

تعارض در منافع: وجود ندارد.

در یک بررسی آماری در سال ۲۰۱۵ توسط سوکانگ کیم و همکاران، ارتباط بین پلی‌مورفیسم‌های ژن گلوکاتینون ترانسفراز (*STM1, GSTT1, GSTP1*) و اسکیزوفرنی بررسی شده که هیچ‌کدام ارتباطی با بیماری نشان ندادند. در مطالعات بعدی ارتباط ضعیفی بین *GSTM1* و اسکیزوفرنی در جمعیت آسیای شرقی نشان داده شد. در نهایت *GSTM1* به‌عنوان تنها فاکتور خطر ابتلا به اسکیزوفرنی در آسیای شرقی معرفی شد (۲۲). در یک بررسی در ژاپن توسط جانی ساروواتاری و همکاران در سال ۲۰۱۳، ارتباط اختلالات متابولیکی در اسکیزوفرنی با پلی‌مورفیسم‌های حذفی *GSTM1* و *GSTT1* با مقایسه ۱۵۴ بیمار و ۲۰۳ کنترل بررسی شد که در نتیجه بررسی ارتباط این پلی‌مورفیسم با اختلالات متابولیکی تایید شد (۲۳).

نتیجه‌گیری

یافته‌های حاصل از این مطالعه نشان داد که پلی‌مورفیسم *Ser311Cys* و پلی‌مورفیسم ژن *GSTM1* در بین بیماران مورد

References:

- 1- Mortensen PB, Pedersen CB, Westergaard T, Wohlfahrt J, Ewald H, Mors O, et al. *Effects of Family History and Place and Season of Birth on the Risk of Schizophrenia*. N Engl J Med 1999; 340(8): 603-8.
- 2- Bromet EJ, Fennig S. *Epidemiology And Natural History of Schizophrenia*. Biol Psychiatry 1999; 46(7): 871-81.
- 3- Maric NP, Svrakic DM. *Why Schizophrenia Genetics Needs Epigenetics: A Review*. Psychiatr Danub 2012; 24(1): 2-18.
- 4- Teaching Network E, London DCP, Jim van Os, *Shitij Kapur*. Lancet 2009; 374: 635-45.
- 5- Yahaya A, Yen GS. *Schizophrenia: The Most Serious of Psychotic Disorders*. 2006.
- 6- da Silva Alves F, Figue M, Van Amelsvoort T, Veltman D, de Haan L. *The Revised Dopamine Hypothesis of Schizophrenia: Evidence from Pharmacological MRI Studies with Atypical Antipsychotic Medication*. Schizophrenia Research 2008; 102(1): 96-7.
- 7- Prasad S, Semwal P, Deshpande S, Bhatia T, Nimgaonkar VL, Thelma BK. *Molecular Genetics of Schizophrenia: Past , Present and Future*. J Biosci 2002; 27(1): 35-52.
- 8- Liu ZW, Liu JL, An Y, Zhang L, Wang YM. *Association between Ser311Cys Polymorphism in*

- The Dopamine D2 Receptor Gene and Schizophrenia Risk: A Meta-Analysis in Asian Populations.* Genet Mol Res 2012; 11(1): 261-70.
- 9- Itokawa M, Arinami T, Futamura N, Hamaguchi H, Toru M. *A Structural Polymorphism Of Human Dopamine D2 Receptor D2 (Ser 311→ Cys).* Biochemical and Biophysical Research Communications 1993; 196(3): 1369-75.
- 10- Arinami T, Itokawa M, Enguchi H, Tagaya H, Yano S, Shimizu H, Hamaguchi H, et al. *Association of Dopamine D2 Receptor Molecular Variant with Schizophrenia.* Lancet 1994; 343(8899): 703-4.
- 11- Golimbet VE, Lebedeva IS, Monakhov MV, Korovaitseva GI, Lezheiko TV, Abramova LI, et al. *[The Cys Allele of the DRD2 (Ser311Cys Polymorphism) is Associated with Schizophrenia and Worse Sustained Attention in Patients].* Zh nevrologii i psikiatrii im SS Korsakova/Ministerstvo zdavookhraneniia i meditsinskoi promyshlennosti Rossiiskoi Federatsii, Vserossiiskoe obshchestvo nevrologov [i] Vserossiiskoe obshchestvo psikiatrov. 2008; 109(9): 67-70.
- 12- Fan H, Zhang F, Xu Y, Huang X, Sun G, Song Y, et al. *An association study of DRD2 gene polymorphisms with schizophrenia in a Chinese Han population.* Neurosci Lett 2010; 477(2): 53-6.
- 13- Spurlock G, Williams J, McGuffin P, Aschauer HN, Lenzinger E, Fuchs K, et al. *European Multicentre Association Study of Schizophrenia: A Study of the DRD2 Ser311Cys and DRD3 Ser9Gly Polymorphisms.* Am J Med Genet 1998; 81(1): 24-8.
- 14- Kashani FL, Kordi-Tamandani DM, Sahranavard R, Hashemi M, Kordi-Tamandani F, Torkamanzehi A. *Analysis of Glutathione S-Transferase Genes Polymorphisms and the Risk of Schizophrenia in a Sample of Iranian Population.* Neuron glia biol 2011; 7(2-4): 199-203.
- 15- Khalighinasab MR, Saify K, Saadat M. *Association Between GSTM1 And GSTT1 Polymorphisms and Susceptibility to Methamphetamine Dependence.* Molecular Biology Research Communication 2015; 4(1): 25-32.
- 16- Gysin R, Kraftsik R, Sandell J, Bovet P, Chappuis C, Conus P, et al. *Impaired Glutathione Synthesis in Schizophrenia: Convergent Genetic and Functional Evidence.* Proc Natl Acad Sci 2007; 104(42): 16621-6.
- 17- Raffa M, Lakhdar R, Ghachem M, Barhoumi S, Safar MT, Bel Hadj Jrad B, et al. *Relationship Between Gstm1 and Gstt1 Polymorphisms and Schizophrenia: A Case-Control Study in a Tunisian Population.* Gene 2013; 512(2): 282-5.
- 18- Gravina P, Spoletini I, Masini S, Valentini A, Vanni D, Paladini E, et al. *Genetic Polymorphisms of Glutathione S-Transferases GSTM1, GSTT1, GSTP1 And GSTA1 as Risk Factors for Schizophrenia.* Psychiatry Res 2011; 187(3): 454-6.
- 19- Himei A, Koh J, Sakai J, Inada Y, Akabame K, Yoneda H. *The Influence on the Schizophrenic Symptoms by the DRD2Ser/Cys311 and- 141C Ins/Del Polymorphisms.* Psychiatry and Clinical Neurosciences 2002; 56(1): 97-102.
- 20- Rodriguez-Santiago B, Brunet A, Sobrino B, Serra-Juhe C, Flores R, Armengol L, et al. *Association of Common Copy Number Variants at the Glutathione S-Transferase Genes and Rare Novel Genomic*

- Changes with Schizophrenia*. Mol Psychiatry 2010; 15(10): 1023-33.
- 21- Matsuzawa D ,Hashimoto K, Hashimoto T, Shimizu E, Watanabe H, Fujita Y, et al. *Association Study Between the Genetic Polymorphisms of Glutathione-Related Enzymes and Schizophrenia in a Japanese Population*. Am J MedGenet Neuropsychiatr Genet 2009; 150B(1): 86-94.
- 22- Kim SK, Kang SW, Chung JH, Park HJ, Cho KB, Park MS. *Genetic Polymorphisms of Glutathione-Related Enzymes (GSTM1, GSTT1, And GSTP1) And Schizophrenia Risk: A Meta-Analysis*. Int J Mol Sci 2015; 16(8): 19602-11.
- 23- Saruwatari J, Yasui-Furukori N, Kamihashi R, Yoshimori Y, Oniki K, Tsuchimine S, et al. *Possible Associations between Antioxidant Enzyme Polymorphisms and Metabolic Abnormalities in Patients with Schizophrenia*. Neuropsychiatric Dis Treat 2013; 9: 1683-98.

Study of the association between DRD2 Gene Ser311Cys and GSTM1 Gene Polymorphism in Schizophrenia

Sanaz poorshekar¹, Afsaneh Firoozfar¹, Mohammadreza Dehghani², Seyed Mojtaba Yassini Ardekani³, Seyed Mehdi Kalantar^{*4}

Original Article

Introduction: Schizophrenia is a mental disorder affecting 1% of the world's population. Two of genes have been recognized to be involved in development of this disease: *DRD2* and *GSTM1*.

Methods: This case-control study included 100 patients suffering from schizophrenia who referred to Yazd Neuropsychiatry Hospital. Also, 100 healthy patients without schizophrenia were selected as the control group. After DNA extraction, it was genotyped 100 schizophrenic and 100 healthy controls by use of restricted fragment of length polymorphism (RFLP) for Ser311Cys polymorphism and multiplex PCR for *GSTM1*. After performing relevant experiments and gaining some results, statistical analysis was performed using SPSS software16. In this study, Chi-square and logistic regression tests were used to investigate the relation between genotype of polymorphism and schizophrenia.

Results: Data analysis showed that frequency distribution of Ser311Cys polymorphism genotypes between the patients and healthy participants was not significant (P: 0.121). Also, for *GSTM1*, there was no association between the polymorphism and schizophrenia. In general, the frequency distribution of the deleting gene between the patients and the control group was not significant (P= 0.089). And this polymorphism was significantly associated with symptoms (P = 0.012).

Conclusion: The results of this study show that Ser311Cys polymorphism and *GSTM1* polymorphism is not common among the studied patients, therefore it indicates its non-effectiveness in the study population. However, because the study population is not representative of the entire Iranian population, further studies with larger population are needed.

Keywords: Schizophrenia, *DRD2 gene*, *GSTM1 gene*, Ser311cys Polymorphism

Citation: poorshekar S, Firoozfar F, Dehghani M, Yassini Ardekani M, Kalantar S. **Study of the association between DRD2 Gene Ser311Cys and GSTM1 Gene polymorphism in Schizophrenia.** J Shahid Sadoughi Uni Med Sci 2019; 27(6): 1602-11.

¹Department of Genetics, Research & Clinical Centre for Infertility, Yazd, Iran

²Medical Genetics Research Center, Shahid Sadoughi University of Medical Sciences, Yazd, Iran

³Research Center of Addiction and Behavioral Sciences Shahid Sadoughi University of Medical Sciences, Yazd, Iran

⁴Department of Genetics, Research & Clinical Centre for Infertility, Yazd, Iran

*Corresponding author: Tel: 09131518918, email: genetic2017@yahoo.com