

ارزیابی میزان عفونت زایی گونه‌های قارچ *Rhizopus* بر روی لارو حشره *Galleria mellonella* و موش آزمایشگاهی

سمیه دولت‌آبادی^۱، محمد جواد نجف‌زاده^۲

مقاله پژوهشی

مقدمه: با وجود اینکه قارچ ریزوپوس اصلی‌ترین عامل ایجاد بیماری موکور مایکوزیس می‌باشد، اطلاعات ما در مورد این عوامل بیماری‌زا ندک می‌باشد. قدرت عفونت زایی سویه‌های *R. arrhizus* و *R. microsporus* که از منابع مختلف بالینی و محیطی جمع آوری شده‌اند، در مدل آزمایشگاهی لارو حشره *Galleria mellonella* و موش مورد بررسی قرار گرفتند.

روش بررسی: در این مطالعه آزمایشگاهی، تعداد ۲۶ سویه، ۱۳ مورد از هر یک از دو گونه فوق در لارو حشره با غلظت نهایی 10^6 ml^{-1} اسپور برای هر سویه آماده شدند. بیماری‌زا ۸ عدد از این سویه‌ها در موش آزمایشگاهی نیز مورد بررسی قرار گرفت. نمونه‌های تلقیح شده در لارو حشره به مدت ۶ روز و موش‌های آزمایشگاهی به مدت ۱۴ روز مورد بررسی قرار گرفتند. اطلاعات آماری به وسیله نرم‌افزار Graphpad Prism (GraphPad Software, San Diego, CA) انجام شد. داده‌های مربوط به بقاء نمونه‌ها با استفاده از نمودارهای Kaplen-Meyer رسم و با استفاده از تست log rank آنالیز شدند. میزان p.value کمتر از 0.05 درصد در نظر گرفته شد.

نتایج: میزان کشنده‌گی قارچ *R. arrhizus* در لارو حشره و موش‌های تلقیح شده بیشتر از *R. microsporus* بود. تفاوت بیماری‌زا ای در دو واریته *R. arrhizus* معنادار نبود. میزان مرگ و میر ارتباطی با منبع جداسازی نداشت و در میان سویه‌های مربوط به یک گونه متغیر بودند. تولید سم باکتری همزیست در گونه *R. microsporus* بر میزان مرگ و میر تاثیری نداشت. مرگ و میر در دو نوع مدل آزمایشگاهی یک الگوی مشابه را نشان می‌دهد.

نتیجه‌گیری: با توجه به بروز مرگ و میر در نمونه‌هایی با منبع محیطی، چنین استنباط می‌گردد که این گروه از قارچ‌ها ماهیت فرصت طلب داشته، در شرایط مساعد قادر به ایجاد بیماری در افراد مستعد می‌باشند. مدل آزمایشگاهی لارو حشره نتایج قبل قابل قبولی را در مقایسه با مدل حیوانی بدست می‌دهد.

واژه‌های کلیدی: ریزوپوس، بیماری‌زا، *Galleria mellonella*، موش آزمایشگاهی

ارجاع: دولت‌آبادی سمیه، نجف‌زاده محمدجواد. ارزیابی میزان عفونت زایی گونه‌های قارچ *Rhizopus* بر روی لارو حشره *Galleria mellonella* و موش آزمایشگاهی. مجله علمی پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی شهید صدوقی یزد ۱۴۰۰؛ ۶(۶): ۶۶-۶۰. ۳۸۵۴-۳۸۵۴.

۱- گروه زیست‌شناسی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه حکیم سبزواری، سبزوار، ایران.

۲- گروه انگل‌شناسی و قارچ‌شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی مشهد، مشهد، ایران.

*نویسنده مسئول؛ تلفن: ۰۹۱۵۱۷۱۱۲۷۵، پست الکترونیکی: Somayeh99@gmail.com. صندوق پستی: ۹۶۱۷۹۷۶۴۸۷

مقدمه

بیماری‌های زمینه‌ای و بیشترین درگیری این عفونت در نواحی سینوس بوده است (۱۰). عفونت رینوسبربال رایج ترین نوع این عفونتها در سطح جهانی نیز می‌باشد (۱۱). در سال‌های اخیر میزان بروز این عفونت با توجه به استفاده از داروهای سرکوب کننده سیستم ایمنی؛ در بیمارانی با مشکلات خونی، پیوند اعضاء، دیابت کنترل نشده، کتواسیدوزیس، استفاده طولانی از کورتیکواستروئیدها، غلظت بالای آهن، و نوزادان نارس رو به رشد بوده است (۱۲-۱۴ و ۶). بیشترین موارد بیماری‌زایی از قارچ‌های گونه ریزوپوس *Rhizopus* و *Lichtheimia* و موکور *Mucor* گزارش شده است (۷). *Rhizopus arrhizus* به تنها‌یی عامل ۷۰ درصد از موارد موکورمایکوزیس و ۹۰ درصد از موارد عفونت رینوسبربال می‌باشد. گونه‌های *Lichtheimia* و موکور در مقام دوم قرار می‌گیرند. دیگر گونه ریزوپوس *R. microsporus* مقام سوم ایجاد عفونت در بیماران مستعد را دارا می‌باشد (۶-۵). *Rhizopus arrhizus* همچنین، گونه رایج در ایجاد موکورمایکوزیس در ایران است (۱۰). *Mucor* و *Lichtheimia* در مجموع باعث ایجاد ۱۹ درصد موارد این بیماری در اروپا می‌باشند (۱۲). از دیگر نمونه‌های رایج در ایجاد *Apophysomyces*، می‌توان به گونه‌های *Cunninghamella*, *Saksenaea*, *Rhizomucor* (۱۳)، *Bulkholderia* (۱۵-۱۷). تهدید دیگر این گروه از قارچ‌ها، رابطه همزیستی آن‌ها با باکتری گرم منفی *Burkholderiaceae* عامل تولید سم این باکتری از خانواده *antimicrotubule* داشته و با ریزوکسین است که خاصیت CBS 111563 جداسازی شده از ماده غذایی سوفو ردیابی شده است (۱۸) که می‌تواند هشداری برای استفاده از این قارچ در صنعت مواد غذایی باشد. در گذشته تصور بر این بود که سویه‌های محیطی متفاوت از سویه‌های بالینی می‌باشند. ولیکن مطالعات مولکولی جدید در مورد گونه *R. microsporus* نشانگر نک نزدی بودن این گونه در سطح مولکولی می‌باشد و بر اساس مطالعات انجام شده، در مورد گونه *R. arrhizus* تنها دو

موکورال‌ها قارچ‌های ساپروفیت بوده که در محیط‌های مختلفی مانند خاک، آب، و مواد در حال فساد دیده می‌شوند. این قارچ‌ها به عنوان تجزیه کننده مواد آلی عمل نموده و باعث فساد، تغییر طعم و مزه در محصولات کشاورزی، و تولید سم شده در نتیجه خسارات بالایی در بخش کشاورزی قابل انتظار می‌باشد (۱). این قارچ‌ها با توجه به سرعت رشد بالا، ساختار رشتۀ‌ای، توانایی رشد در حرارت بالا، و نیز تولید طیف وسیعی از آنزیم‌ها و متابولیت‌های ثانویه، گزینه‌های مناسبی جهت تولید فرآورده‌های زیستی در صنعت می‌باشند که با صرفه‌جویی مالی بسیار همراه خواهد بود (۲). تولید متابولیت‌های ثانویه‌ای مانند اسیدهای آلی (اسید مالیک، اسید لاکتیک)، کاروتون، آنزیم‌های مختلف (لیپاز، آمیلاز، تیروزیناز، سلولاز، پکتیناز)، الكل، سوخته‌ای زیستی، و مواد دارویی از گونه‌های مختلف این گروه گزارش شده‌اند که هر کدام به نوبه خود می‌توانند بخش عظیمی از تقاضای روزافزون این محصولات در بازارهای تجاری و صنعتی وابسته را پوشش دهند (۳). گونه‌های موکورال از دیر باز در تولید غذاهای تخمیری بر پایه سویا و برنج در کشورهای آسیای دور بکار می‌رفته‌اند (۴). از دیدگاه کلی، قارچ *R. arrhizus* به عنوان قارچ امن Recognized As Safe (GRAS) شناخته می‌شود و قادر به استفاده از منابع کربنی مختلفی می‌باشد (۴-۳). این گروه قارچی همچنین قادر به ایجاد عفونت موکورمایکوزیس می‌باشند. بروز عفونت موکورمایکوزیس در افراد سالم نادر بوده ولیکن بروز این عفونت در بیماران با نقص سیستم ایمنی در دهه‌های اخیر رو به رشد بوده است (۵-۷). اگرچه بروز موکورمایکوزیس از شیوع کمتری نسبت به عفونت‌های ناشی از قارچ آسپرژیلوس و کاندیدا برخوردار می‌باشد ولیکن درصد مرگ و میر و سرعت پیشرفت آن بسیار بالاتر می‌باشد (۸). بسته به نوع بیماری زمینه‌ای افراد، و موضع عفونت، میزان مرگ و میر بین ۲۰-۱۰۰ درصد گزارش شده است (۹). در مطالعه مروری انجام شده در ایران، دیابت نوع ۲ اصلی‌ترین

قرار می‌گیرد. تاثیر سم ریزوکسین موجود در باکتری همزیست بر ایجاد بیماری موکورمایکوزیس نیز با استفاده از سویه‌های مثبت و منفی از نظر تولید سم مورد بررسی قرار گرفته و نتایج حاصله با نتایج مشابه در موش آزمایشگاهی به عنوان مدل استاندارد در آزمایشات بالینی، مورد مقایسه قرار می‌گیرند. استفاده از مدل‌های آزمایشگاهی اطلاعات گستردگی را در زمینه شناخت مولکولی موکورمایکوزیس و روش‌های درمانی آن در اختیار ما قرار داده است (۲۹). نتایج حاصله از این مطالعه بر میزان شناخت ما نسبت به عملکرد این گونه‌ها در بالین خواهد افزود و امکان مدیریت بهتر این نوع عفونت را فراهم می‌آورد.

روش بررسی

آماده سازی نمونه های قارچی

در این مطالعه آزمایشگاهی، تعداد کل ۲۶ نمونه قارچی مورد بررسی قرار گرفتند. این سویه‌ها از مرکز CBS-KNAW (Utrecht, The Netherlands) تهیه شدند. از این میان، تعداد ۱۳ نمونه از گونه *Rhizopus microsporus* بودند که شامل دو نمونه محیطی، ۷ نمونه غذایی، و ۴ نمونه بالینی می‌باشد. از این میان تعداد دو نمونه حاوی باکتری همزیست و قادر به تولید سم ریزوکسین می‌باشند و تعداد دو نمونه فاقد این باکتری همزیست و عاری از سم می‌باشند (جدول ۱). حضور یا عدم حضور باکتری همزیست در این سویه‌ها در مطالعات قبلی با استفاده از روش کشت در محیط مناسب جهت رشد باکتری‌ها به اثبات رسیده بوده است (۳). تعداد ۱۳ نمونه از قارچ *R. arrhizus* نیز مورد مطالعه قرار گرفتند که شامل ۵ نمونه محیطی، ۵ نمونه غذایی و ۳ نمونه بالینی می‌باشد. نمونه‌های زیر مجموعه قارچ *R. arrhizus* شامل دو واریته این گونه می‌باشد؛ واریته (*n=5*), *arrhizus* (*n=8*), *delemar* (*n=5*)، *arrhizus* نمونه‌های استفاده شده در این مطالعه از مناطق جغرافیایی متنوعی به دست آمدند (جدول ۱). سویه‌های لیوفیلیزه شده بر روی محیط کشت مالت پیپتون (MP, Oxoid, Basingstoke, U.K.) به مدت دو روز قرار گرفتند و سپس به محیط کشت مالت اکسترکت آگار (MEA, Oxoid) منتقل شده و به مدت ۲ روز در دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد انکوبه شدند. در مورد مدل

واریته *delemar*, *arrhizus* پذیرفته می‌باشد (۱۹-۲۰). استفاده از پستاندارانی مانند موش، روش ایده آل جهت بررسی شدت بیماری‌زایی عوامل عفونی می‌باشد. استفاده از موش‌ها برای بررسی اثر داروهای ضدقارچی و نیز شدت بیماری‌زایی ریزوپوس مورد استفاده قرار گرفته است (۲۱-۲۲). اما استفاده از پستانداران در مقیاس بالا با محدودیت‌های اخلاقی، زمان و هزینه مواجه می‌باشد. در نتیجه استفاده از مدل‌های جایگزین شناخت مولکولی موکورمایکوزیس و روش‌های درمانی آن در اختیار ما قرار داده است (۲۹). نتایج حاصله از این مطالعه بر میزان شناخت ما نسبت به عملکرد این گونه‌ها در بالین خواهد افزود و امکان مدیریت بهتر این نوع عفونت را فراهم می‌آورد.

روش بررسی

آماده سازی نمونه های قارچی

در این مطالعه آزمایشگاهی، تعداد کل ۲۶ نمونه قارچی مورد بررسی قرار گرفتند. این سویه‌ها از مرکز CBS-KNAW (Utrecht, The Netherlands) تهیه شدند. از این میان، تعداد ۱۳ نمونه از گونه *Rhizopus microsporus* بودند که شامل دو نمونه محیطی، ۷ نمونه غذایی، و ۴ نمونه بالینی می‌باشد. از این میان تعداد دو نمونه حاوی باکتری همزیست و قادر به تولید سم ریزوکسین می‌باشند و تعداد دو نمونه فاقد این باکتری همزیست و عاری از سم می‌باشند (جدول ۱). حضور یا عدم حضور باکتری همزیست در این سویه‌ها در مطالعات قبلی با استفاده از روش کشت در محیط مناسب جهت رشد باکتری‌ها به اثبات رسیده بوده است (۳). تعداد ۱۳ نمونه از قارچ *R. arrhizus* نیز مورد مطالعه قرار گرفتند که شامل ۵ نمونه محیطی، ۵ نمونه غذایی و ۳ نمونه بالینی می‌باشد. نمونه‌های زیر مجموعه قارچ *R. arrhizus* شامل دو واریته این گونه می‌باشد؛ واریته (*n=5*), *arrhizus* (*n=8*), *delemar* (*n=5*)، *arrhizus* نمونه‌های استفاده شده در این مطالعه از مناطق جغرافیایی متنوعی به دست آمدند (جدول ۱). سویه‌های لیوفیلیزه شده بر روی محیط کشت مالت پیپتون (MP, Oxoid, Basingstoke, U.K.) به مدت دو روز قرار گرفتند و سپس به محیط کشت مالت اکسترکت آگار (MEA, Oxoid) منتقل شده و به مدت ۲ روز در دمای ۳۰ درجه سانتی‌گراد انکوبه شدند. در مورد مدل

مجموع ۵۴ موش مورد استفاده قرار گرفت. موش‌های تزریق شده حداقل سه بار در روز مورد بررسی قرار می‌گرفتند. عالیم بالینی مد نظر شامل بروز مواردی مانند کم آبی، کاهش وزن (حدود ۱۵٪) وزن بدن در ۴۸ ساعت و یا ۲۰٪ در ۲۴ ساعت)، افت درجه حرارت بدن تا ۳۳ درجه سانتیگراد، سفتی عضلات گردن، بیقراری می‌باشد. موش‌هایی که این عالیم را بروز دادند با حفظ اصول اخلاقی از آزمایش حذف شدند. آزمایش در روز ۱۴ بعد از تلچیح خاتمه یافته و تمامی موش‌های مورد آزمایش با بیهوشی ایزووفلوران از بین رفتند و اندام‌های داخلی جدا شدند. تست حرارت: تست حرارت برای تمامی سویه‌های قارچی که مورد مطالعه قرار گرفتند، انجام شد. سویه‌ها در دمای ۱۵ درجه تا ۳۶ درجه سانتی‌گراد با فواصل ۳ درجه به مدت ۳ روز انکوبه شدند. همچنین سویه‌ها در دمای ۵۵، ۵۲، ۵۰، ۴۵، ۴۰، و ۳۶ درجه سانتی‌گراد نیز انکوبه شدند. سویه‌ها در پلیت‌های ۸ سانتی‌متری مالت اکسترکت آگار و در تاریکی قرار گرفتند (۱۹).

تجزیه و تحلیل آماری

تمام اطلاعات آماری به وسیله نرم افزار Graphpad Prism (GraphPad Software, San Diego, CA) نسخه ۷ انجام شد. داده‌های مربوط به بقاء نمونه‌ها با استفاده از نمودارهای Kaplen-Meyer رسم و با استفاده از تست log rank آنالیز شدند. میزان p.value کمتر از ۰/۰۵ درصد در نظر گرفته شد. میانگین زمانی زنده ماندن (Median Survival Time, MST) نمونه‌ها، به معنای زمانی که نیمی از لاروها و یا موش‌ها مرده‌اند، می‌باشد.

ملاحظات اخلاقی

پروپوزال این تحقیق توسط دانشگاه علوم پزشکی مشهد تایید شده است (کد اخلاق REC. 1396.457 (IR.MUMS.fm.REC.

نتایج

R. microsporus دمای رشد بهینه برای رشد سویه‌های این دمای ۳۶ درجه سانتی‌گراد و دمای رشد بیشینه برای سویه‌ها در محدوده ۵۰-۵۲°C به دست آمد. اکثر نمونه‌ها در بازه دمایی ۳۰ تا ۴۰ درجه سانتی‌گراد قادر به رشد مطلوب بوده‌اند. دمای رشد بهینه برای رشد سویه‌های R. arrhizus

آزمایشگاهی موش، پس از اسپورزایی کافی، اسپورها در بافر استریل PBS جمع‌آوری شده و غلظت ۱۰⁷ اسپور در یک میلی‌لیتر برای هر سویه قارچی و به ازای هر نمونه موش آزمایشگاهی و یا لارو حشره تهیه شد. اسپورها با استفاده از لام نیوبار شمارش شده و در دمای ۴°C نگهداری می‌شوند. از این میزان اسپور، مقدار ۰/۱ میلی‌لیتر با کمک سرنگ استریل به هر لارو تزریق می‌گردد تا غلظت نهایی ۱۰⁶ به دست آید. بافر R. microsporus CBS 102277 به عنوان کنترل منفی و سویه مثبت مورد استفاده قرار گرفتند IPS (Insect Phosphate Saline; 8/76 g NaCl, 0/35 g KCl, 15/76 g Tris-HCl, 3/72 g EDTA, 4/72 g Na-citrate per litre, pH = 6/9) استفاده شد. این بافر به عنوان کنترل منفی در این آزمون و سویه R. microsporus CBS 102277 به عنوان کنترل مثبت مورد استفاده قرار گرفت. به منظور بررسی قابلیت تکرار آزمون، از تعداد ۲۰ عدد لارو حشره به ازای هر نمونه استفاده شده است و هر آزمون دو بار تکرار شده است.

مدل لارو حشره Galleria mellonella: لارو مرحله ششم برای این آزمون مورد استفاده قرار گرفته است. لاروها قبل از استفاده در دمای ۱۸°C و در تاریکی قرار گرفتند. وزن لاروها ۰/۳-۰/۴ گرم بوده است. اسپورهای تهیه شده در بافر IPS به قسمت پای شکمی لاروها تزریق شدند. نمونه‌های تلچیح شده و نمونه‌های کنترل به مدت شش روز در ۳۰°C و تاریکی انکوبه و بررسی شدند. تغییر رنگ لاروها به قهوه‌ای نشانه از بین رفتن آنها می‌باشد (۲۳).

مدل موش آزمایشگاهی: تعداد ۵۴ عدد موش ماده CD-1 با وزن ۲۰-۲۵ با سن ۴-۵ هفته، در ۱۸ گروه دسته بندی شدند. تعداد سه موش برای هر گروه در نظر گرفته شد. شدت بیماری‌زایی ۸ عدد از سویه‌های ذکر شده در مدل آزمایشگاهی لارو حشره در مدل موش نیز بررسی شدند (۲۲). میزان ۰/۱ میلی‌لیتر از اسپور با غلظت نهایی ۱۰⁶ در یک میلی‌لیتر از طریق رگ دمی به بدن موش تزریق شد. گروه شاهد فقط بافر PBS را دریافت نمودند. مطالعه دو مرتبه تکرار شد بنابراین

۴۰ در مقایسه با سویه های فاقد باکتری همزیست ایجاد نمودند ($0-80\%$, av. $58.33\% \pm 40$). مرگ و میر در روز دوم معنادار نبود. در مقایسه با منبع جداسازی نمونه ها بر اساس سه گروه نمونه های محیطی، غذایی، و بالینی، نتایج معناداری به دست نیامد. توان بیماری زایی در سویه ها با منبع مختلف مشهود بود. نتایج به دست آمده در میان سویه های مربوط به یک گونه متغیر بودند. از میان نمونه های فوق، تعداد ۸ عدد نمونه که از منابع متفاوتی جداسازی شده اند برای آزمون موش (4 *R. microsporus*, 2 *R. arrhizus* var. *delemar*) تمام موش ها با *R. arrhizus* and 2 *R. arrhizus* var. *delemar* تلخیق شدند. میزان مرگ و میر در غلظت 10^6 ml تلخیق شدند. میزان مرگ و میر در *R. arrhizus* var. *delemar* آرایه مورد (آ). این امر در مورد *R. arrhizus* var. *arrhizus* با $66/66$ می باشد. در مورد *R. arrhizus* var. *arrhizus* مرگ و میر به میزان $100/100$ در بازه زمانی ۶-۵ روز خ داده و برابر با $66/66$ می باشد. در بازه زمانی ۶-۳ روز بوده است (شکل ۱ ب). سویه های تولید کننده سم CBS 339.62, CBS 112588 (CBS 339.62, CBS 112588) مرگ و میری برابر با سویه های فاقد توانایی تولید سم (CBS 700.68, CBS 631.82) از خود نشان دادند. سویه (*R. arrhizus* var. *arrhizus*) که از خاک جداسازی شده است بیشترین میزان مرگ و میر را در میان دیگر نمونه های تلخیق شده در موش های آزمایشگاهی بروز داد. در مقایسه با منبع جداسازی نمونه ها بر اساس سه گروه نمونه های محیطی، غذایی، و بالینی، نتایج معناداری به دست نیامد.

دماه ۳۰ درجه سانتی گراد و دمای رشد بیشینه برای این سویه ها ۴۵ درجه سانتی گراد به دست آمد. قابلیت تکرار در آزمون لارو حشره، با استفاده از ۲۰ لارو به ازای هر نمونه و دو بار تکرار آزمون نشان داد که تفاوت در نتایج پس از ۴۸ ساعت به استثنای سویه های CBS 324.35, CBS 137314 کمتر از 25% CBS 631.82, CBS 137314, CBS 137314 و در آخرین روز آزمون به استثنای سویه های ۱۳۷۳۱۴ روز آزمون کاملاً تکرار پذیر بوده است. *R. microsporus* به میزان $70-100\%$ (av. $87.72\% \pm 25.33$) مرگ و میر ایجاد نموده که این امر در بازه زمانی ۱-۴.۵ روز خ داده است (شکل ۲ ب). در مورد *R. arrhizus* مرگ و میر به میزان $90-100\%$ (av. $98.34\% \pm 3.11$) در بازه زمانی ۱-۲ روز بوده است. میزان *R. arrhizus* var. *delemar* مرگ و میر (av. $99.38\% \pm 1.76$) و در مورد *R. arrhizus* var. *arrhizus* میزان مرگ و میر (av. $96.67\% \pm 4.24$) بوده است (شکل ۲ آ). در نتیجه تفاوت بین دو واریته معنادار نمی باشد. در مورد قارچ *R. microsporus* میزان مرگ و میر 48.77% در دومین روز پس از تلخیق بوده است در حالی که این رقم در مورد *R. arrhizus* بوده و بیانگر بیماری زایی قوی تر گونه *R. arrhizus* در روز دوم افزایش مرگ و میری به می باشد. *Rhizopus microsporus* میزان 15.8% در روز آخر آزمایش از خود نشان می دهد. سویه های دارای باکتری همزیست که قادر به ایجاد سم می باشند، مرگ و میری به میزان $51.41\% \pm 0-100\%$, av. میزان مرگ و میری به میزان $70-100\%$ (av. $87.72\% \pm 25.33$)

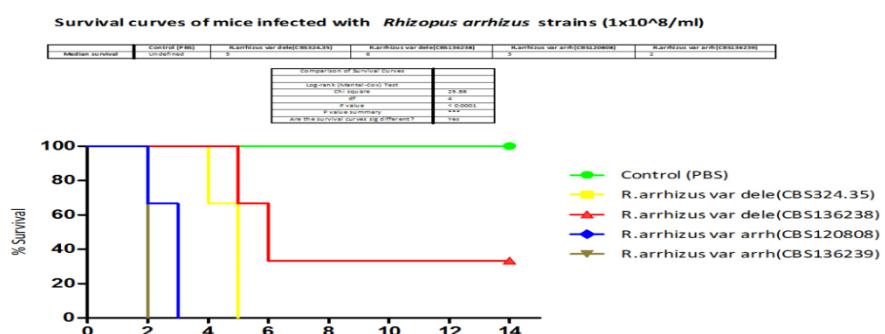
جدول ۱: نمونه های قارچی مورد استفاده در این مطالعه آزمایشگاهی: نام گونه، منبع و مکان جداسازی، وجود باکتری همزیست در برخی سویه ها، نتایج حاصله در دو مدل آزمایشگاهی

نام گونه	منبع	موش	لارو حشره	تولید سم
شماره نمونه	مکان			میانگین مرگ و میر (روز)
CBS 112588	اندونزی	<i>R. microsporus</i>	Tempe	6
CBS 339.62	اندونزی	<i>R. microsporus</i>	Tempe	6

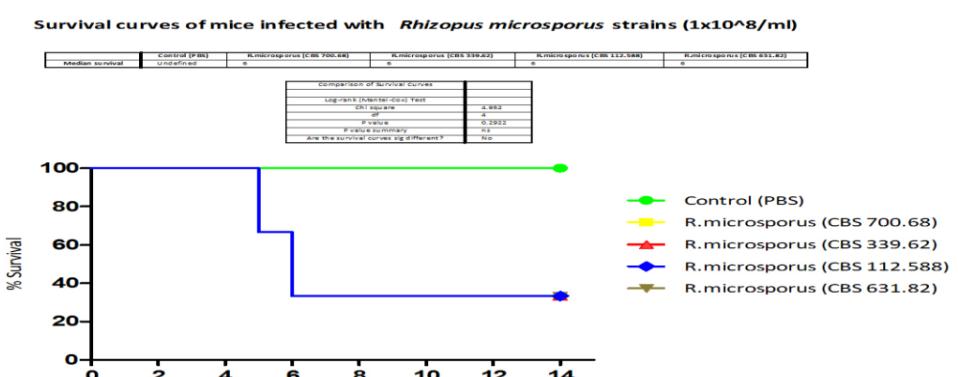
CBS 631.82	چین	<i>R. microsporus</i>	Bread	6	1	Yes
CBS 700.68	گرجستان	<i>R. microsporus</i>	Forest soil		3.5	
CBS 102277	--	<i>R. microsporus</i>	Human ,		2	No
			rhinocereb ral			
CBS 112586	اندونزی	<i>R. microsporus</i>	Tempe		2	
CBS 124669	یونان	<i>R. microsporus</i>	Human , soft palate		3	
			liver			
CBS 264.60	نروژ	<i>R. microsporus</i>	abscess in pig		2	
CBS 294.31	فرانسه	<i>R. microsporus</i>	Cow foetus		2	
CBS 337.62	اندونزی	<i>R. microsporus</i>	Tempe		3	
CBS 536.80	آفریقای جنوبی	<i>R. microsporus</i>	<i>Sorghu m malt</i>		1	No
CBS 537.80	آفریقای جنوبی	<i>R. microsporus</i>	<i>Sorghu m malt</i>		1	Yes
CBS 699.68	اکراین	<i>R. microsporus</i>	Soil	3	2	
CBS 120808	فرانسه	var. <i>arrhizus</i>	Sputu m	2	2	
CBS 136239	ایران	var. <i>arrhizus</i>	Soil		2	
CBS 120809	فرانسه	var. <i>arrhizus</i>	Sputu m		2	
CBS 136236	هلند	var. <i>arrhizus</i>	Soil		2	
CBS 136237	هلند	var. <i>arrhizus</i>	Soil		2	

عفونت زایی گونه های ریزوپوس Rhizopus

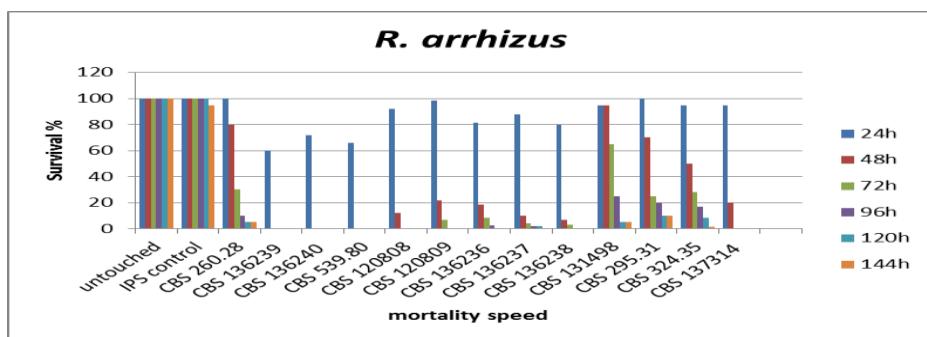
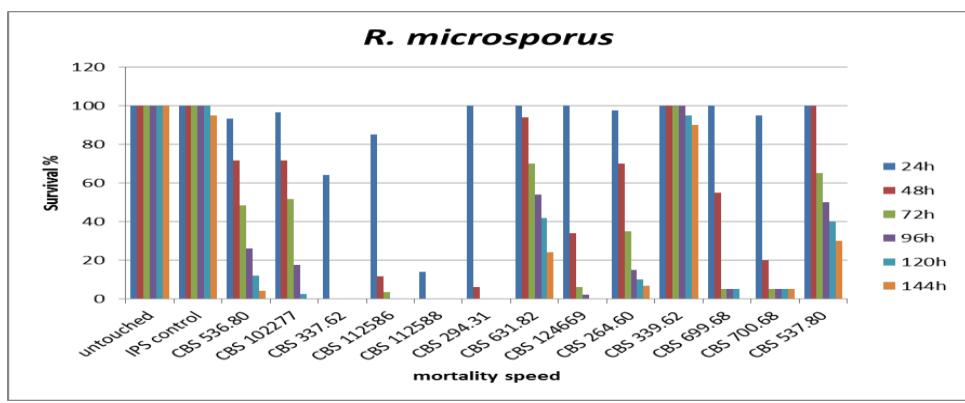
CBS 136240	ایران	var. <i>arrhizus</i>	Soil	1
CBS 260.28	چین	var. <i>arrhizus</i>	Chinese yeast	2
CBS 539.80	آفریقایی جنوبی	var. <i>arrhizus</i>	Sorghum malt	6 2
CBS 136238	هلند	var. <i>delemar</i>	Soil	5 2.5
CBS 324.35	اندونزی	var. <i>delemar</i>	Cocos cake	1
CBS 131498	هلند	var. <i>delemar</i>	Tempe	1
CBS 137314	آفریقایی جنوبی	var. <i>delemar</i>	Sorghum malt	1
CBS 295.31	آلمان	var. <i>delemar</i>	Pig	



شکل ۱ آ: نمودار مرگ و میر گونه *R. microsporus* در بازه زمانی ۱۴ روزه در موش آرمایشگاهی.



شکل ۲ ب: نمودار مرگ و میر دو واریته از گونه *R. arrhizus* در بازه زمانی ۱۴ روزه در موش آرمایشگاهی.

شکل ۲ آ: نمودار مرگ و میر دو واریته از گونه *R. arrhizus* در بازه زمانی شش روزه در لارو حشره.شکل ۲ ب: نمودار مرگ و میر گونه *R. microsporus* در بازه زمانی شش روزه در لارو حشره.

مطالعات مربوط به موکورال‌ها نیز مورد استفاده بوده اند (۳۵،۳۴). در این مطالعه از مدل موش جهت مقایسه نتایج در آزمایش لارو حشره و نیز بهره‌مندی از یک مدل پستاندار استفاده شده است. در دیگر مطالعات، میزان مرگ و میر گونه ریزوپوس در مقایسه با دیگر گونه‌های موکورال در دمای ۳۰ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد شدیدتر گزارش شده است (۳۳). میزان مرگ و میر *R. arrhizus* در لارو حشره بالاتر از گونه *R. microsporus* بود (تصویر ۲ آ). این تفاوت می‌تواند در ارتباط با دمای بهینه رشد بالاتر برای *R. microsporus* در مقایسه با دمای بهینه کمتر برای گونه *R. arrhizus* و لارو حشره باشد. دمای رشد بهینه برای *R. arrhizus* ۳۰ درجه سانتی‌گراد و در مورد *R. microsporus* ۴۵ درجه می‌باشد. توان رشد در دماهای بالاتر، نیاز اولیه میکرووارگانیسم‌ها برای آلووده کردن میزان خونگرم می‌باشد. قارچ‌های موکورال به خوبی از این

بحث

در این مطالعه، با استفاده از مدل آزمایشگاهی لارو حشره، میزان بیماری‌زایی دو گونه رایج ریزوپوس ارزیابی گردید. استفاده از لارو حشره *Galleria mellonella* در بررسی بیماری‌زایی قارچ‌های پاتوژن مختلف و همچنین سویه‌های *Madurella mycetomatis* نتایج قابل قبولی را به همراه داشته است (۳۱،۳۰). نتایج آزمایشگاهی به دست آمده از این لارو جهت بررسی بیماری‌زایی قارچ *Candida* و *Aspergillus* با مدل پستاندار موش آزمایشگاهی قابل مقایسه (۲۳،۳۲) و همچنین کاربرد این مدل در مورد بیماری‌زایی گونه‌های موکورال، موفقیت‌آمیز بوده است (۳۳). پستانداران مختلفی مانند خرگوش، خوکچه هندی، و موش به دلیل شباهت‌های ساختاری و فیزیولوژیکی با بدن انسان، مدل مناسبی را جهت بررسی‌های آزمایشگاهی فراهم می‌آورند. این جانوران در

مقایسه داده ها فراهم شود. به این منظور استفاده از سویه های استاندارد میکروبی و مدل های آزمایشگاهی مناسب توصیه می شود (۳۳). استراتژی این مطالعه استفاده از نمونه هایی بوده است که دمای رشد و نمو آن ها برای زندگی، نزدیک به دمای بدن انسان است. پس با بررسی زمان مرگ و میر نمونه های آلوده با این گونه قارچی و به دست آوردن میزان درصد مرگ و میر آن ها می توان به یافته های مقایسه ای با شرایط ایجاد بیماری در بالین دست یافت. این آزمون نشان داد هر دو گونه *R. arrhizus* و *R. microsporus* و *R. microsporus* هم چنین پاتوژن های مهم فرصت طلب مانند موکور، کاندیدا، آسپيرژیلوس و فوزاریوم قادر به ایجاد عفونت در میزان هایی با نقص سیستم ایمنی می باشند (۲۹). پس با به دست آوردن زمان مرگ و میر نمونه ها و درصد آلودگی آن ها می توان به زمان لازم جهت بهبودی بیماران و درمان آن ها و نیز روند پیشروی بیماری پی برد.

نتیجه گیری

سویه های تست شده در این آزمایش، در میزان بیماری زایی متفاوت بودند. درصد بیماری زایی بالا در نمونه های جداسازی شده از منابع محیطی نیز مشاهده شده است. لذا با توجه به گسترده گی وسیع این گونه قارچی در طبیعت و نیز بیماری زایی آن ها در انسان، بررسی میزان بیماری زایی این گونه ها ضروری می باشد. با توجه به نتایج بدست آمده در این مطالعه قدرت ذاتی در تولید بیماری در گونه های مذکور وجود داشته و بنابراین باید به عنوان یک ریسک و خطر در عرصه بالین و صنایع مختلف با آن ها برخورد نمود.

سپاس گزاری

نتایج این کار مربوط به طرح شماره ۹۵۱۸۳۷ دانشگاه علوم پزشکی مشهد می باشد.

حامی مالی: حامی مالی این طرح، دانشگاه علوم پزشکی مشهد.

تعارض در منافع: وجود ندارد.

توانایی برخوردار می باشند. در مطالعه کائگر و همکاران Kaerger et al. 2015 گرمادوست توپایی بیشتری به بیماری زایی داشتند در حالیکه دیگر عوامل مانند اندازه اسپور، مقاومت در برابر استرس ها، و تاثیری در این امر نداشتند. هر دو مدل آزمایشگاهی لارو حشره و موش، مدل عفونت سیستمی را ارائه می دهند و در نتیجه نتایج حاصله قابل مقایسه می باشد. لذا با وجود تعداد کم نمونه های بررسی شده در مدل موش آزمایشگاهی، نتایج به دست آمده در دو مدل مشابه می باشند (۲۹). این امر بر قابلیت مدل لارو حشره به عنوان مدل آزمایشگاهی مطلوب در مطالعات بالینی تاکید می نماید. توان بیماری زایی بالاتر گونه *R. arrhizus* هر دو مدل لارو حشره و موش مشابه شرایط موجود در بالین می باشد. تفاوت اندکی در میان دو واریته این گونه وجود دارد ولیکن تعداد سویه ها ممکن است برای نتیجه گیری کلی اندک باشد. در مجموع نتایج متفاوت بین دو گونه با تفاوت در سطح سویه ها مرتبط نبوده است، حتی در مطالعاتی که از تعداد بیشتر سویه ریزوپوس استفاده نموده اند (۳۳، ۳۵). نتایج حاصل از این آزمون تفاوت معناداری را در میان نمونه های جداسازی شده از منابع مختلف، نشان نداده و این امر دلالت بر توان ذاتی این نمونه ها در ایجاد عفونت در شرایط مساعد مانند بدن فرد مبتلا به نقص سیستم ایمنی می باشد. میزان مرگ و میر ارتباطی با حضور باکتری همزیست در برخی سویه ها نداشت. لذا استبانت می گردد که بیماری زایی این گونه ها و عفونت موکور مایکوزیس ارتباطی با وجود این باکتری نداشته باشد (۳۷، ۳۸). سرعت ایجاد مرگ و میر در سویه های مورد مطالعه بالا و در همان روزهای اولیه پس از تلقیح بوده است. این امر مطابق با سرعت پیشروی عفونت در بالین و ایجاد مرگ و میر بالا در زمان کوتاه می باشد که مشخصه عفونت موکور مایکوزیس می باشد. به نظر می رسد مواردی مانند ترکیب محیط کشت، درجه حرارت، جنسیت جانور، بر نتایج آزمون ها تاثیرگذار می باشند (۲۹). لذا استفاده از پروتوكلهای یکسان در مطالعات ضروری بوده تا امکان

References:

- 1-Dolatabadi S. *Mucorales between Food and Infection* [Thesis]. Netherlands: Amsterdam University 2015.**
- 2-Hesseltine CW. *Microbiology of Oriental Fermented Foods*. Annu Rev Microbiol 1983; 37: 575-601.**
- 3-Jennessen J, Nielsen KF, Houbraken J, Lyhne EK, Schnurer J, Frisvad JC, Samson RA. *Secondary Metabolite and Mycotoxin Production by the Rhizopus Microsporus Group*. J Agr Food Chem 2005; 53(5): 1833-40.**
- 4-Hong SB, Kim DH, Lee M, Baek SY, Kwon SW, Houbraken J, Samson RA. *Zygomycota Associated with Traditional Meju, A Fermented Soybean Starting Material For Soy Sauce and Soybean Paste*. J Microbiol 2012; 50(3): 386-93.**
- 5-Ibrahim AS, Spellberg B, Walsh TJ, Kontoyiannis DP. *Pathogenesis of Mucormycosis*. Clin Infect Dis 2012; 54: S16-S22.**
- 6-Rammaert B, Lanternier F, Zahar JR, Dannaoui E, Bougnoux ME, Lecuit M, et al. *Healthcare-Associated Mucormycosis*. Clin Infect Dis 2012; 54: S44-S54.**
- 7-Lanternier F, Sun HY, Ribaud P, Singh N, Kontoyiannis DP, Lortholary O. *Mucormycosis in Organ and Stem Cell Transplant Recipients*. Clin Infect Dis 2012; 54(11): S35-S43.**
- 8-Quan C, Spellberg B. *Mucormycosis, Pseudallescheriasis, and Other Uncommon Mold Infections*. Proc Am Thorac Soc 2010; 7: 210-5.**
- 9-Ribes JA, Vanover-Sams CL, Baker DJ. *Zygomycetes in Human Disease*. Clin Microbiol Rev 2000; 13(2): 236-301.**
- 10-Dolatabadi S, Ahmadi B, Rezaei-Matehkolaie A, Zarrinfar H, Skiada A, Mirhendi H, et al. *Mucormycosis in Iran: A Six-Year Retrospective Experience*. J Mycol Med 2018; 28(2): 269-73.**
- 11-Ribeiro LC, Wanke Da Silva M, Dias LB, Mello R, Canavarros FAPB, Leite DP, et al. *Mucormycosis in Mato Grosso, Brazil: Case 1089 Reports, Caused By Rhizopus Microsporus Var. Oligosporus and Rhizopus Microsporus Var. Rhizopodiformis*. Mycopathologia 2012; 173(2-3): 187-92.**
- 12-Skiada A, Pagano L, Groll A. *Analysis of 230 Cases Accrued by the Registry of the European Confederation of Medical Mycology (ECMM) Working Group on Zygomycosis Between 2005 and 2007*. Clin Microbiol Infect 2011; 17(12): 1859-67.**
- 13-Binder U, Maurer E, Lass-Flörl C. *Mucormycosis from the Pathogens to the Disease*. Clin Microbiol Infect 2014; 20: 6: 60-6.**
- 14-Kontoyiannis DP, Marr KA, Park BJ, Alexander BD, Anaissie EJ, Walsh TJ, et al. *Prospective Surveillance for Invasive Fungal Infections in Hematopoietic Stem Cell Transplant Recipients, 2001-2006: Overview of the Transplant-Associated Infection Surveillance Network (TRANSNET) Database*. Clin Infect Dis 2010; 50(8): 1091-100.**
- 15-Petrikos G, Skiada A, Lortholary O, Roilides E, Walsh TJ, Kontoyiannis DP. *Epidemiology and Clinical Manifestations of Mucormycosis*. Clin Infect Dis 2012; 54: S23-S34.**
- 16-Gomes MZ, Lewis RE, Kontoyiannis DP. *Mucormycosis Caused by Unusual Mucormycetes*,**

- Non-Rhizopus, Mucor, and -Lichtheimia Species.**
Clin Microbiol Rev 2011; 24(2): 411-45.
- 17-Chakrabarti A, Singh R. Mucormycosis in India: Unique Features.** Mycoses 2014; 57: 85-90.
- 18-Rohm B, Scherlach K, Möbius N, Partida-Martinez LP, Hertweck C. Toxin Production by Bacterial Endosymbionts of a Rhizopus Microsporus Strain Used for Tempe/Sufu Processing.** Int J Food Microbiol 2010; 136(3): 368-71.
- 19-Dolatabadi S, Walther G, Gerrits Van Den Ende AHG, De Hoog GS. Diversity and Delimitation of Rhizopus Microsporus.** Fungal Div 2014; 64: 145-63.
- 20-Dolatabadi S, De Hoog GS, Meis JF, Walther G. Species Boundaries and Nomenclature of Rhizopus Arrhizus (Syn. R. Oryzae).** Mycoses 2014; 57: 108-27.
- 21-Odds FC, Van Gerven F, Espinel-Ingroff A, Bartlett MS, Ghannoum MA, Lancaster MV, et al. Evaluation of Possible Correlations between Antifungal Susceptibilities of Filamentous Fungi in Vitro and Antifungal Treatment Outcomes in Animal Infection Models.** Antimicrob Agents Chemother 1998; 42(2): 282-88.
- 22-Seyedmousavi S, Melchers WJG, Verweij PE, Mouton JW. Assessment of Efficacy of Antifungals in Experimental Models of Invasive Aspergillosis in an Era of Emerging Resistance: The Value of Real-Time Quantitative PCR.** Curr Opin Pharmacol 2011; 11(5): 486-93.
- 23-Jacobsen ID. Galleria Mellonella as a Model Host to Study Virulence of Candida.** Virulence 2014; 5(2): 237-9.
- 24-Nappi AJ, Christensen BM. Melanogenesis and Associated Cytotoxic Reactions: Applications to Insect Innate Immunity.** Insect Biochem Mol Biol 2005; 35(5): 443-59.
- 25-Bergin D. Galleria Mellonella Hemocytes: Identification of Proteins Homologous to the NADPH Oxidase Complex of Human Neutrophils.** Infect Immun 2005; 73(7): 4161-70.
- 26-Mylonakis E, Casadevall A, Ausubel FM. Exploiting Amoeboïd and Non-Vertebrate Animal Model Systems to Study the Virulence of Human Pathogenic Fungi.** Plos Pathog 2007; 3(7): E101.
- 27-Alvarez E, Sutton DA, Cano J, Fothergill AW, Stchigel A, Rinaldi MG, et al. Spectrum of Zygomycete Species Identified from Clinically Significant Specimens in the United States.** J Clin Microbiol 2009; 47: 1650-56.
- 28-Walther G, Pawłowska J, Alastraße-Izquierdo A, Wrzosek M, Rodriguez-Tudela JL, Dolatabadi S, et al. DNA Barcoding in Mucorales: An Inventory of Biodiversity.** Persoonia 2013; 30: 11-47.
- 29-Jacobsen ID. Animal Models to Study Mucormycosis.** J Fungi 2019; 5(2): 27.
- 30-Kloezen W, Van Helvert-Van Poppel M, Fahal AH, Van De Sande WW. A Madurella Mycetomatis Grain Model in Galleria Mellonella Larvae.** Plos Neglected Tropical Disease 2015; 9: E0003926.
- 31-Fallon J, Kelly J, Kavanagh K. Galleria Mellonella as a Model for Fungal Pathogenicity Testing.** Methods Mol Biol 2012; 845: 469-85.
- 32-Slater JL, Gregson L, Denning DW, Warn PA. Pathogenicity of Aspergillus Fumigatus Mutants**

Assessed in Galleria Mellonella Matches that in Mice. Med Mycol 2010; 49: S107-13.

33-Maurer E, Hortnagl C, Lackner M, Grassle D, Naschberger V, Moser P; et al. *Galleria Mellonella as a Model System to Study Virulence Potential of Mucormycetes and Evaluation of Antifungal Treatment.* Med Mycol 2018; 57(3): 351-62

34-Schwartz VU, Jacobsen ID. *Mucormycoses Caused by Lichtheimia Species.* Mycoses 2014; 57: 73-8.

35-Kamei K. *Animal Models of Zygomycosis-Absidia, Rhizopus, Rhizomucor, and Cunninghamella.* Mycopathologia 2001; 152: 5-13

36-Kaerger K, Schwartz VU, Dolatabadi S, Nyilasi I, Kovács SA, Binder U, et al. *Adaptation to Thermotolerance in Rhizopus Coincides with Virulence as Revealed by Avian and Invertebrate Infection Models, Phylogeny, Physiological and Metabolic Flexibility.* Virulence 2015; 6(4): 395-403.

37-Ibrahim AS, Gebremariam T, Liu M, Chamilos G, Kontoyiannis DP, Mink R, et al. *Bacterial Endosymbiosis is Widely Present among Zygomycetes but Does Not Contribute to the Pathogenesis of Mucormycosis.* J Infect Dis 2008; 198(7): 1083-90.

Assessment of Virulence Potential in *Rhizopus* species in Larvae of *Galleria Mellonella* and Mice

Somayeh Dolatabadi^{1*}, Mohammad Javad Najafzadeh²

Original Article

Introduction: Although, *Rhizopus* species, are the main causative agents of mucormycosis, we know a little about these pathogens. We investigated the virulence potential of *Rhizopus arrhizus* and *R. microsporus* strains, obtained from a wide selection of clinical and environmental sources, in *Galleria mellonella* larvae and a mice model.

Methods: In this experiment, a total of 26 strains, 13 for each species of *R. microsporus*, *R. arrhizus* were tested in larvae with final concentration of 10^6 /ml per strain. Eight strains were tested in mice model. Inoculated samples were monitored in insect larvae for 6 days and in mice for 14 days. Statistical data were performed using Graphpad Prism software (GraphPad Software, San Diego, CA). Survival data of the samples were plotted using Kaplan-Meyer diagrams and analyzed using log rank test P value was considered 0.05%.

Results: *R. arrhizus* showed higher virulence compare to *R. microsporus* in both models. No specific difference was seen in pathogenicity between the two varieties of *R. arrhizus*. Virulence was not affected by source of isolation or production of toxin in some strains of *R. microsporus*. Virulence pattern was similar in both models.

Conclusion: Considering the mortality rate which was happened with strains from environmental sources, we conclude that these fungi have an opportunistic nature, which make them pathogen in susceptible hosts in favorite conditions. Larvae model showed reliable results compare to mice model.

Keywords: *Rhizopus*, virulence, *Galleria mellonella*, mice model.

Citation: Dolatabadi S, Najafzadeh M.J. Assessment of Virulence Potential of *Rhizopus* Species in *Galleria Mellonella* and Mice. J Shahid Sadoughi Uni Med Sci 2021; 29(6): 3854-66.

¹Department of Biology, Faculty of Basic Sciences, Hakim Sabzevari University, Sabzevar, Iran.

²Department of Parasitology and Mycology, Faculty of Medicine, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran.

*Corresponding author: Tel: 09151711275, email: Somayeh99@gmail.com